

Nº Línea TFG	TITULO TRABAJO	DESCRIPCION	DEPARTAMENTO	FACULTAD/CENTRO	TUTOR	E- MAIL TUTOR	DESPACHO TUTOR
<b>OFERTA RETIRADA</b>							
46	<del>Identificación de genes y moléculas implicados en estrés de retículo endoplásmico asociado a Enfermedad Inflamatoria Intestinal.</del>	<del>Se analizarán líneas celulares humanas en cultivo sometidas "in vitro" a estrés de RE y estímulos proinflamatorios. Como modelo "in vivo" se estudiará epitelio intestinal de ratones modificados genéticamente que tienen inflamación intestinal crónica asociada a estrés de RE. También se analizarán muestras obtenidas de pacientes con enfermedad inflamatoria intestinal. Se utilizarán técnicas de biología molecular, citometría de flujo, inmunohistoquímica, cultivos celulares, etc.</del>	<del>Microbiología I (Inmunología)</del>	<del>Medicina</del>	<del>Eduardo Martínez Naves/ Manuel Gómez del Moral</del>	<del>emnaves@ucm.es</del>	<del>Inmunología- Despacho 22. Pabellón 5, 4ª planta- Facultad de Medicina- UCM</del>
<b>OFERTA ADICIONAL</b>							
Nº Línea TFG	TITULO TRABAJO	DESCRIPCION	DEPARTAMENTO	FACULTAD/CENTRO	TUTOR	E- MAIL TUTOR	DESPACHO TUTOR
52	Bioactividad de la hormona hipofisaria TSH en modelos murinos con administración de cannabinoides y en animales knockout para sus receptores tipo 1 (CB1) y tipo 2 (CB2).	En este proyecto se analizará la biopotencia de la hormona estimuladora del Tiroides (TSH) para activar su receptor específico (TSHR) en un modelo celular in vitro, utilizando suero de ratones con administración de Anandamida y ratones con delección de los receptores de cannabinoides CB1 y CB2. Se aplicarán técnicas de: cultivo celular de células de mamífero, transfección de plásmidos, RT-PCR ( PCR con retrotranscripción) y ensayos de luciferasa con lectura luminométrica	Servicio de Genética	Instituto de Genética Médica y Molecular (INGEMM)	Jose Carlos Moreno Navarro	josecarlos.moreno@salud.madrid.org	INGEMM. Edificio Quirfírgico. Planta semisótano. Hospital Universitario La Paz.
53	Caracterización funcional de las proteínas LSM en la respuesta de las plantas a distintas condiciones ambientales adversas	La degradación y procesamiento de los mRNAs juegan un papel clave en la regulación de la expresión génica en respuesta a distintos factores ambientales en plantas. En este proyecto, se analizará la función de las proteínas LSM, implicadas en el metabolismo de los mRNAs, en dicha respuesta. Este proyecto se abordará desde abordajes experimentales genéticos, moleculares y bioquímicos.	Departamento de Biología Medioambiental	Centro de Investigaciones Biológicas-CSIC	Julio Salinas Muñoz	salinas@cib.csic.es	Centro de Investigaciones Científicas, Ramiro de Maeztu, 9; 20840 Madrid
54	Inmovilización de la N-acil-homoserin lactona acilasa de Actinoplanes utahensis en soportes comerciales	En este proyecto se procederá a la inmovilización covalente de la enzima N-acil-homoserin lactona acilasa de Actinoplanes utahensis en diferentes soportes comerciales (Sepabeads, Relizyme y Purolite) con el fin de obtener biocatalizadores estabilizados con posible aplicación en la industria de producción de antibióticos.	Dept. Bioquímica y Biol. Mol. I	Biológicas	Miguel Arroyo Sánchez	arroyo@bio.ucm.es	Departamento de Bioquímica y Biología Molecular I. Facultad de Ciencias Biológicas. 1ª Planta del edificio Anexo, laboratorio 3.